

Replacement Sheet

Nucleotide Sequence of Enod2a Genomic Clone

GGATCCTTACACAGGCCAGACATCCCCAAGTTCTCA 36
BamHI
AATAAGACAAATTGTTGTTCTTTCTTAATATTTACAGGGAGATGTTCTGTCTTTG 96
ATTTGGGGATTTCATTTAGCACATAACAAACAGTTAACAAAATTTGCCCCACCAAAAAG 156
ATGTTGCACTAGAACTCAACATAGTAGCTACAATAATTCTGTAAAAGTTCTGTCTTTT 216
TTTCAGCTTTACCGTTCATTTAGGTGAATATGGAGCAGTTGTTTCATGTATGATTCCAT 276
GCAAATTATAAACTCATTAAACAACTGGAATCATACTCTGTGCCTCTATCACTTCGAA 336
GTTTCTTAATTTCTTATTGAATTGATTTTCAATTTCTGTTACAAATAACTTAAACATGT 396
CAAGCGCTTCACCTTTTATTTTTCATAAGATATACATATATATATAATCAGAGCAGTCATC 456
AATAAAAGTGATAAAATATCGTTTTCCATTCTGGTCAACGTTCCATCAAATTCACATAT 516
ATCAGAATGTATTAAATCCAATGGCTCAGATTCTTTAACTACTGATTTTGTGATTTTTT 576
AGTTATTTTAGATTGACTGCAAAAACACACTTTTCAAAGTGATTTGAAGATAGCTTTGG 636
AATAAAACCTAAGTTACTCATATTAGATATGCAACGACTATTTATATGACAAAGTCTAGA 696
ATGCCAGAATTAAAATCACACAGCATGTAAGCAGAAGGAGAACTTTATTAATATCAAGA 756
TTCAATTTGAACATGCCATCAGTGGCGTACCCTTTCCCTACAAATACCCCATCTTGGTC 816
AAAGTAAATAAATCTGCACCTATGGTCTGAGTAAACCCAGCCTTGTTTAAAAGAAAACCA 876
GAAACCAGATTCTTTCTCATCTCTGGAGTATGCATCACATCTTTGAGAATCAAAGTCTTT 936
CCAGAGGTAAACTTCAGTTCAACATCTCCAGTTCTAGCAACAGTAGTGGTGTGGGAATCA 996

FIG. 2A

Replacement Sheet

Nucleotide Sequence of Enod2b Genomic Clone

AAGCTTGACAAAAGATAAATGCTTTGTGGGGTGGCGTAGCGTCTTTATGCAGCAATGGTT 60
Hind3
TATGTAATTTATGTAATGGGGTGGTCACTCCTAGTACTGTCTCTGTGTTATGATTAAT 120
GAAATGTTTTGCTTTTTTCGAAAAGAACAATAATCCTTAAGTTCACCCCATTTGTAAATA 180
GTCTCTTACATTGAATTGGGGTTGAATTATTAAAGAAGAAATCTCAACTACTTATTTATT 240
TTAAATTTCAATCATTATTAGTTTAATTTTATAAATCACTTTTCTAAATATTAAAATA 300
TAATAAACTCTTCTAAAAACATAATAAAATTAATAACTAAATAAATAAATTATTTTTT 360
ATTGGTATTTATTTTTGTTTTTTTTTTTTCTAAATTCATATTCTTTTACTTATGTTTTAA 420
TAGACAAAAAAGTATTTGTAAACNNNNNNCATGTATAGAAACTATTCCTTTAACCTATA 480
AAAACTATCATTAAATATTTTTTAAGATAATTATTATAAAATCAACAACTTATTAA 540
TAATATATGATTCAATAATAATATATAAATCTTTGCATCTAACATAAATTATAATAATA 600
TTACAATTTTTCTCTTTAAATCAATTTTACATTTTAAAAAATCAAATTAAATTCATATCC 660
GACTATTGCTGCGCATGATAGGCTCTAAAAGACCATCCCATTCACATATTAATATCTTAT 720
TCAACGTTAATCTGTGTTCTGTTAGATTCCAAAGATTCCAGTGAATAGTGATGGCTAAGA 780
ACAGTTTCTTGACCTTTTCGCTAACAAAGCAAGCCTACCTATACAAGCTCCAATTATTTTCT 840
TTTTTGAGGATTGCTCCATTTATTNNCCGACAAACATACATGCATCTAAATGTGGCAGC 900
ATGCTAAAGTTTTGGTGAGGCTATAGTAAATATGAAATAAAGATTGAAAGTTTCAGCCC 960
AATATAAAAAAAATTAATTCCTTCTGAAATGAAAAGAGTATCAAAGAAGATATAATCA 1020

FIG. 3A